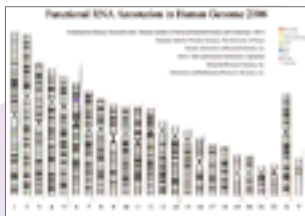


# プロジェクト

## CBRC で進行中のプロジェクトの一部をご紹介します

### NEDO 機能性 RNA プロジェクト



【参加者】  
数理モデルチーム  
浅井 潔 (研究チーム長)  
金 大真 (研究員)  
木立 尚孝 (産総研特別研究員)  
山名 美智子 (産総研特別研究員)

ヒトゲノムにおけるアノテートされた機能性 RNA 一覧

平成 17 年度より開始した本プロジェクトでは、私たちはバイオインフォマティクスグループにおいて、新規 RNA 配列解析アルゴリズムの開発、新規機能性 RNA の網羅的予測とデータベースの開発に携わっています。CBRC 研究員、ポスドク及び、東京大学大学院の学生、そして企業 3 社の研究員など多彩なメンバー総勢 18 名が、精力的に研究を推進しています。

### NEDO 細胞アレイプロジェクト



【参加者】  
生体ネットワークチーム  
堀本 勝久 (研究チーム長)  
富永 大介 (研究員)  
油谷 幸代 (研究員)  
中川 康二 (産総研特別研究員)  
孫 富艶 (テクニカルスタッフ)  
大規模計算チーム  
秋山 泰 (研究チーム長)

産総研 RICE と CBRC の 2 ユニットが中心となり、東京大学、(財) 癌研究所、協和発酵、カネボウなど合計 10 の研究機関が参画するプロジェクトです。生きた細胞における遺伝子発現と細胞形態を連続観測し創薬に直結できる実験観測および情報処理の技術開発を行っています。

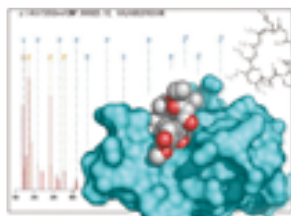
### 振興調整費「生命情報科学技術者養成コース」



【代表者】  
秋山 泰 (研究センター長)  
【コース専任】  
横田 恭宣、岡田 吉史、寺田 朋子  
坂井 寛子、水谷 健太郎、玉貴 喜子

忙しい社会人向けに、体系的ながらコンパクトな学習機会を提供することを目的とし、速習コース・II、創薬コース、リーダー養成コースを開講しています。指導には、上記専任の外、多くの CBRC 内外の研究者のご協力をいただいています。(p.4 の記事もご覧ください。)

### NEDO ケミカルバイオロジープロジェクト



【参加者】  
分子設計チーム  
広川 貴次 (研究チーム長)  
内古閑 伸之 (JBIC から出向)  
大規模計算チーム  
秋山 泰 (研究チーム長)

完全長 cDNA リソースや、タンパク質の相互作用解析技術基盤等を最大限に活用し、国内の優れた技術を結集して、さらに技術の高精度化を図り、疾患等の生物現象を制御する化合物の探索までを含めた一貫した支援を目指しています。CBRC では質量分析データ解析やインシリコスクリーニング技術で貢献しています。

### JST BIRD 「タンパク質の構造・機能予測法の開発とヒトゲノム配列への適用」



【参加者】  
配列解析チーム  
富井 健太郎 (研究員)  
タンパク質機能チーム  
野口 保 (研究チーム長)  
長野 希美 (研究員)

所外の研究グループと共同で、タンパク質の構造と機能予測に関する研究に取り組んでいます。CBRC では、自動化されたタンパク質立体構造予測法の開発と酵素活性部位データベースの作成を行っており、今後ヒトゲノム配列の解析に応用していきます。

### JST BIRD 「INOH パスウェイデータベース」



【参加者】  
生体ネットワークチーム  
福田 賢一郎 (研究員)  
山本 智子 (JST から出向)  
酒井 紀子 (JST から出向)

細胞内プロセスなどのパスウェイ情報をデータベース化するためのオントロジー構築、マニュアルキュレーションによる論文からのデータ抽出、そして BioPAX による国際標準フォーマット策定に取り組んでいます。