

お知らせ

バイオジャパン2009に出展

日本最大級のバイオ産業専門イベントであるバイオジャパンが今年10月7日～9日にパシフィコ横浜にて開催されます。CBRCは昨年同様、産総研ブース内に出展し研究内容・成果の展示を行うとともに、セミナーでの講演も予定しています。会場へお越しの際は、是非産総研ブースへお立ち寄りください。

[Bio Japan2009詳細] <http://expo.nikkeibp.co.jp/biojapan/>

産総研オープンラボ開催

産総研がこれまでに行ってきた研究の成果や研究リソースを、企業の経営層、研究者・技術者、大学・公的研究機関の皆様にご覧頂くために10月15日～16日に産総研つくばセンターにてオープンラボが開催されます。

CBRCは、産学官連携活動や技術者養成コンソーシアムについての解説、ポスター展示を予定しています。

みなさまのご来場をお待ちしております。

[産総研オープンラボ詳細]

http://www.aist.go.jp/aist_j/openlab/2009/au0401.html

平成21年度技術者養成

「バイオインフォマティクス速習コースⅡ」開講中

生命情報科学技術者養成コースの一環として、バイオインフォマティクスの概要を体系的・実践的に学ぶことを目的とした同コースが、今年度は10月1日から開講しています。また、創薬インフォマティクス技術者養成コースは、8月3日から7日までと9月7日から11日までの全10日間にて行われ、定員を上回る23名の方々が受講されました。



住所変更

11/1より住所表示が変更になります。

新住所 135-0064 東京都江東区青海二丁目4番7号

成果紹介

(最近の成果の中から選んだものを記載しています。)

- 【論文】 ●Sato, K., Hamada, M., Asai, K., Mitsuyama, T.: "CentroidFold: a web server for RNA secondary structure prediction", *Nucleic Acids Research*, **1**(37)Web Server issue pp.277-280 (2009).
- Georgii, E., Dietmann, S., Uno, T., Pagel, P., Tsuda, K.: "Enumeration of condition-dependent dense modules in protein interaction networks", *Bioinformatics*, **25**(7) pp.933-940 (2009).
- Tsuda, K.: "Machine Learning with Quantum Relative Entropy", *Journal of Physics Conference Series*, **143**, 012021 (2009)..
- Morita, K., Saito, Y., Sato, K., Oka, K., Hotta, K., Sakakibara, Y.: "Genome-wide searching with base-pairing kernel functions for non-coding RNAs: computational and expression analysis of snoRNA families in *Caenorhabditis elegans*", *Nucleic Acids Research*, **37**(3) pp.999-1009 (2009).
- Tomii, K., Itoh, J.: "Universal partitioning of the hierarchical fold network of 50-residue segments in proteins", *BMC Structural Biology*, **9**(34), (2009).

Faculty of 1000 Biology (論文評価機関) に推薦

RNA 情報工学研究チームの清水 佳奈研究員、藤 博幸招聘研究員によるタンパク質間相互作用におけるディスオーダーの解析に関する論文 (Shimizu & Toh, *J. Mol. Biol.*, 2009) が、Faculty of 1000 Biology に推薦されました。

外部資金取得について

JST戦略的国際科学技術協力推進事業:

「ミトコンドリアβバレル型外膜タンパク質の輸送と膜組み込み機構及びタンパク質相互作用の解明」(ホートン)

人事異動

【退職】北山 健

(分子機能計算チームテクニカルスタッフ) (6/30 付)

研究員紹介

- 1 趣味や自己紹介など
- 2 研究内容や抱負

山崎 智

Satoshi YAMASAKI

分子機能計算チーム
産総研特別研究員



- 1 何か組み立てる事(PC、日用大工、模型)は全般に好きです。最近は写真(主に静物)にも手を出しつつあります。
- 2 タンパク質や核酸の相互作用・構造・ダイナミクス特性を、分子動力学法を用いて研究しています。現在は主にRNA間の相互作用について解析をしています。

宋 毅恒

SONG Yixuan

細胞機能設計チーム
テクニカルスタッフ



- 1 以前、趣味は?と聞かれた時、即座に「山登り」と答えていました。でも、富士登山にチャレンジし頂上まで登った時に、もう年かな?と感じて、最近は山登りもやや遠のいています。
- 2 日本に来てから専門を薬物化学から分子疫学にシフトしました。最近は酵素タンパク質に関するデータベースの作成に専念しています。目の前の仕事に全力を尽くすことが一番大切だと考えながら日々励んでいます。

+ 編集後記 +

話題のガンダムは微妙にCBRCから見えません。周りには屋台も出ているそうなので一度足を運んでみたいと思いますが、近いとなかなか行きませんね。

CBRCニューズレター第29号(2009年10月1日発行)

禁無断転載

[編集発行]

技術を社会へ
Integration for Innovation



独立行政法人

産業技術総合研究所 生命情報工学研究センター

〒135-0064 東京都江東区青海2-42 産総研臨海副都心センター別館 バイオ・IT融合研究棟

TEL:03-3599-8080(代表) FAX:03-3599-8081 E-MAIL:cbrc2-pr@m.aist.go.jp <http://www.cbrc.jp/>